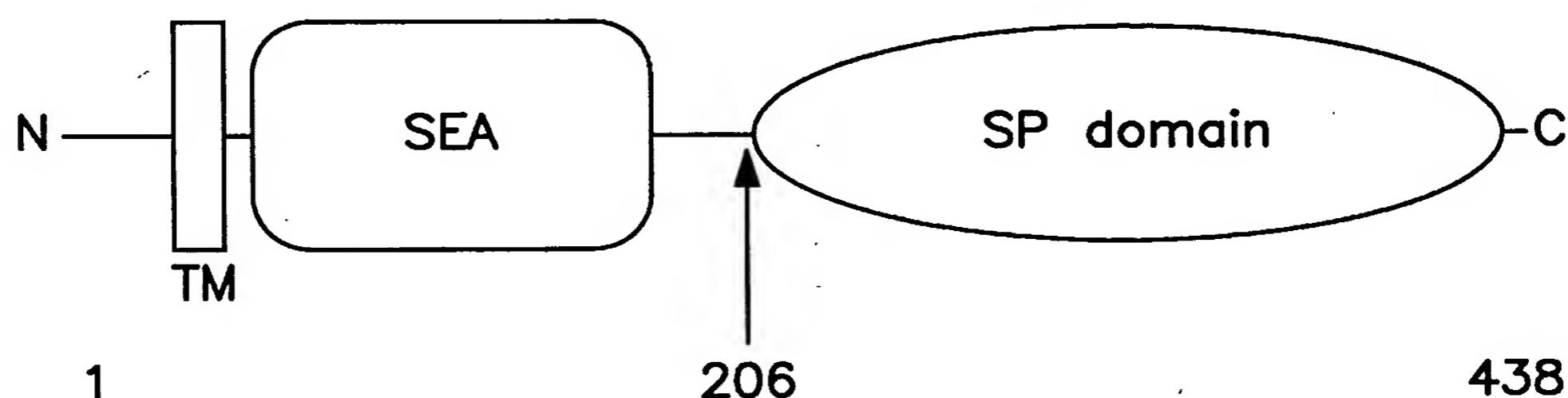


Domain organization and amino acid sequence of MTSP7



10 20 30 40 50 60
MMYTPVEFSEAEFSRAEYQRKQQFWDSVRLAFLTALIAIVAIIGIAIGIVTHFVVEDDKSFY
70 80 90 100 110 120
YLASFKVTKNIKYKENYGIRSSREFIERSHQIERMMSRIFRHSSVGGRFIKSHVIKLSPE
130 140 150 160 170 180
QGVVDILIVLIFRYPSTDSEQIKKKIEKALYQSLKTQQLSLTINKPSFRLTPIDSKKMRN
190 200 210 220 230 240
LLNSRCGIRMTSSNMPLPASSSTQRIVQGRETAMEGEWPWQASLQLIGSGHQCGASLISN
250 260 270 280 290 300
TWLLTAAHCFWKNDPTQWIATFGATITPPAVKRNVRKIIILHENYHRETNENDIALVQLS
310 320 330 340 350 360
TGVEFSNIVQRVCLPDSSIKLPPKTSVFTGFGSIVDDGPIQNTLRQARVETISTDVCNR
370 380 390 400 410 420
KDVYDGLITPGMLCAGFMEGKIDACKGDSGGPLVYDNHDIWYIVGIVSWGQSCALPKKPG
430
VYTRVTKYRDWIASKTGM*

↓ = protease cleavage site

FIG. 11

10 20 30 40 50 60
AGATCAGATGGCGACTGAATAGAAGCTGCCAGTCCTGGGTTCATGATGTACACACCTG
TCTAGTCTACCGCTGACTTATCTCGACGGGGTCAGGACCAAGTACTACATGTGGAC

70 80 90 100 110 120
TTGAATTTCAAGCTGAATTCTCACGAGCTGAATATCAAAGAAAGCAGCAATTGGG
AACTTAAAGTCTCGACTTAAGAGTGCTGACTTATAGTTCTCGTTAAAC

130 140 150 160 170 180
ACTCAGTACGGCTAGCTTTCACATTAGCAATTGTAGCAATCATAGGAATTGCAATTG
TGAGTCATGCCGATCGAGAAAAGTGTAAACATCGTTAGTATCCTAACGTTAAC

190 200 210 220 230 240
GTATTGTTACTCATTTGTTGAGGATGATAAGTCTTCTATTACCTGCCTTTA
CATAACAAATGAGTAAAACAACAACCTACTATTAGAAAGATAATGGAACGGAGAAAAT

250 260 270 280 290 300
AAGTCACAAATCAAATATAAAGAAAATTATGGCATAAGATCTCAAGAGAGTTATAG
TTCAGTGTATAGTTATTTCTTAATACCGTATTCTAGAAGTTCTCAAATATC

310 320 330 340 350 360
AAAGGAGTCATCAGATTGAAAGAATGATGTCTAGGATATTGACATTCTCTGTAGGCG
TTCCCTCAGTAGTCTAACTTCTACTACAGATCCTATAAGCTGTAAGAAGACATCCGC

370 380 390 400 410 420
GTCGATTATCAAATCTCATGTTATCAAATTAAAGTCCAGATGAAACAAGGTGTGGATATTG
CAGCTAAATAGTTAGAGTACAATAGTTAACAGGTCTACTTGTCCACACCTATAAG

430 440 450 460 470 480
TTATAGTGCATATTCGATACCCATCTACTGATAGTGCTGAACAAATCAAGAAAAAAA
AATATCACGAGTATAAGCTATGGTAGATGACTATCACGACTTGTAGTTCTTTTT

490 500 510 520 530 540
TTGAAAAGGCTTATATCAAAGTTGAAGACCAAAACAATTGTCTTGACCATAAACAAAC
AACTTTCCGAAATATAGTTCAAACCTCTGGTTAACAGAAACTGGTATTGTTG

550 560 570 580 590 600
CATCATTAGACTCACACCTATTGACAGCAAAAGATGAGGAATCTCTCAACAGTCGCT
GTAGTAAATCTGAGTGTGGATAACTGTCGTTCTACTCCTAGAAGAGTTGTCAGCGA

610 620 630 640 650 660
GTGGAATAAGGATGACATCTCAAACATGCCATTACAGCATCCTCTACTCAAAGAA
CACCTTATTCTACTGTAGAAGTTGTACGGTAATGGTGTAGGAGAAGATGAGTTCTT

670 680 690 700 710 720
TTGTCCAAGGAAGGAAACAGCTATGGAAGGGGAATGCCATGGCAGGCCAGCCTCCAGC
AACAGGTTCCCTCCCTTGTCGATACCTCCCTTACCGGTACCGTCCGGTCGGAGGTCG

730 740 750 760 770 780
TCATAGGGTCAGGCCATCAGTGTGGAGCCAGCCTCATCAGTAACACATGGCTGCTCACAG
AGTATCCCAGTCCGGTAGTCACACCTCGGTGGAGTAGTCATTGTGTACCGACGAGTGT

790 800 810 820 830 840
CAGCTCACTGTTGGAAAAATAAAGACCAACTCAATGGATTGCTACTTTGGTGCAA
GTCGAGTGACGAAAACCTTTATTCGGTTGAGTTACCTAACGATGAAAACCACGTT

850 860 870 880 890 900
CTATAACACCACCCGCAGTGAACGAAATGTGAGGAAATTATTCTTCATGAGAATTACC
GATATTGTGGTGGCGTCACCTTGCTTACACTCCTTAATAAGAAGTACTCTTAATGG

910 920 930 940 950 960
ATAGAGAAACAAATGAAAATGACATTGCTTGTTGAGCTCTACTGGAGTTGAGTTT
TATCTCTTGTTACTTTACTGTAAACGAAACCAAGTCGAGAGATGACCTCAACTCAAAA

970 980 990 1000 1010 1020
CAAATATAGTCCAGAGAGTTGCCTCCAGACTCATCTATAAAGTTGCCACCTAAAACAA
GTTTATATCAGGTCTCTCAAACGGAGGGTCTGAGTAGATATTCAACGGTGGATTTGTT
1030 1040 1050 1060 1070 1080
GTGTGTTCGTCACAGGATTGGATCCATTGTAGATGATGGACCTATACAAAATACACTTC
CACACAAGCAGTGTCTAACCTAGGTAACATCTACTACCTGGATATGTTTATGTGAAG
1090 1100 1110 1120 1130 1140
GGCAAGCCAGAGTGGAAACCATAAGCACTGATGTGTGAAACAGAAAGGATGTGTATGATG
CCGTTGGTCTCACCTTGGTATTGACTACACACATTGTCTTCCTACACATACTAC
1150 1160 1170 1180 1190 1200
GCCTGATAACTCCAGGAATGTTATGTGCTGGATTGATGGAAAGGAAAAATAGATGCATGTA
CGGACTATTGAGGTCTTACAATACACGACCTAAGTACCTTCCTTTATCTACGTACAT
1210 1220 1230 1240 1250 1260
AGGGAGATTCTGGTGGACCTCTGGTTATGATAATCATGACATCTGGTACATTGTAGGTA
TCCCTCTAACGACCACCTGGAGACCAAATACTATTAGTACTGTAGACCATGTAACATCCAT
1270 1280 1290 1300 1310 1320
TAGTAAGTTGGGGACAATCATGTGCACTTCCAAAAACCTGGAGTCTACACCAAGAGTAA
ATCATTCAACCCCTGTTAGTACACGTGAAGGGTTTTGGACCTCAGATGTGGTCTCATT
1330 1340 1350 1360 1370 1380
CTAAGTATCGAGATTGGATTGCCTCAAAGACTGGTATGTAGTGTGGATTGTCATGAGTT
GATTCACTAGCTCTAACCTAACGGAGTTCTGACCATACATCACACCTAACAGGTACTCAA
1390 1400 1410 1420 1430 1440
ATACACATGGCACACAGAGCTGATACTCCTGCGTATTTGTATTGTTAAATTCACTTAC
TATGTGTACCGTGTCTCGACTATGAGGACGCATAAAACATAACAAATTAAAGTAAATG
1450 1460 1470 1480 1490 1500
TTGGATTAGTGCCTTGCTAGATGTCAGAACAGCCCTCAGACCCAGACAAATCTAATAT
AACCTAACGAAAACGATCTACAGTCTCGGGAAAGTCTGGGTCTGTTAGATTATA
1510 1520 1530 1540 1550 1560
CCTGAGGTGGCCTTACATACGTAGGACCAACCCCTCTACCATGAGGGAAAGAACAC
GGACTCCACCGGAAATGTATGCATCCTGGTTGGAGAGATGGTACTCCCTCTGTG
1570 1580 1590 1600 1610 1620
AGCAAATGACAGACAGCACCTATTCCCTACTCACAAGGGAAACTGCTTGATACTCCT
TCGTTACTGTCTCGTGATAAGGAATGAGTGTCCCTTGACGAACACTATGAAGGA
1630 1640 1650 1660 1670 1680
AATAAGATAATAAGTGGTTCCCTCAATTGAAGACAGGAACATCATTCCACAGGATA
TTATTCTATTATTACCAAAAGGGAGTTAACTCTGTCTGTAGTAAAGGTGTCTAT
1690 1700 1710 1720 1730 1740
TGAAGAGCTGCCAGTAATGCCAAATCTTACCTCATATAACCTGGAGCATGTGAGGATT
ACTCTCGACGGTCATTACGGTTAGAATGGAGTATATTATGGACCTCGTACACTCTAA
1750 1760 1770 1780 1790 1800
CTCTAGTAAAAAGAACAGTCTCCCTGAAGACTCAGGGCTAACATTCTAGAACTGA
GAAGATCACTTTCTGTAGAAGGGACTCTGAGTCCGAAGTTGTAAGATCTTGACT
1810 1820 1830 1840 1850 1860
TAAGTGGACCTTCAGTGTGCAAGAACATGGAGAAGCATGGGATTGCAATTGACTTGA
ATTCACCTGGAAGTCACACGTCTTACCTCTCGTACCCCTAACGTAATACTGAACATTGA
1870 1880 1890 1900 1910 1920
GGGCTTATATCTAATAATAACAGAGCACTATCACTAACCTAACAGTTGACATTAAAAG
CCCGAATATAGATTATTGTCTCGTAGTGTAGTGGAGTTGTCAACTGTAAAATTTC

Title: NUCLEIC ACID MOLECULES ENCODING A POLYPEPTIDE, THE ENCODED TRANSMEMBRANE SERINE PROTEASE 7, THE ENCODED POLYPEPTIDES AND METHODS BASED THEREON
Applicant: Edwin Madison et al.
Filed: March 13, 2002 Appl. No.: 10/099,700
Examiner: Unassigned Art Unit: Unassigned
Our Docket No.: 24745-1613

1930 1940 1950 1960 1970 1980
TTTTTAAATGTATCTGAACCTGCTGTTAACACAGTGTATAACTCAAGCACTAGCTTCAG
AAAAAATTACATAGACTTGAACGACAATTGTGTACAATATTGAGTTCGTGATCGAAGTC
1990 2000 2010 2020 2030 2040
GAAGCATGTGTGTTAACAGAGCTTTCTGATTATTCTTAAACAGCATCTGCCATC
CTTCGTACAACACAATTCTCGAAAAGACTAAATAAGAAATTGTCGTAGAACGGTAG
2050 2060 2070 2080 2090 2100
TATATGTTAGTAGCAGTTGGCCAGAAAGGACAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAAA
ATATACAATCATCGTCAACGGGTCTTCCTGTTTTTTTTTTTTTTTTTTTT